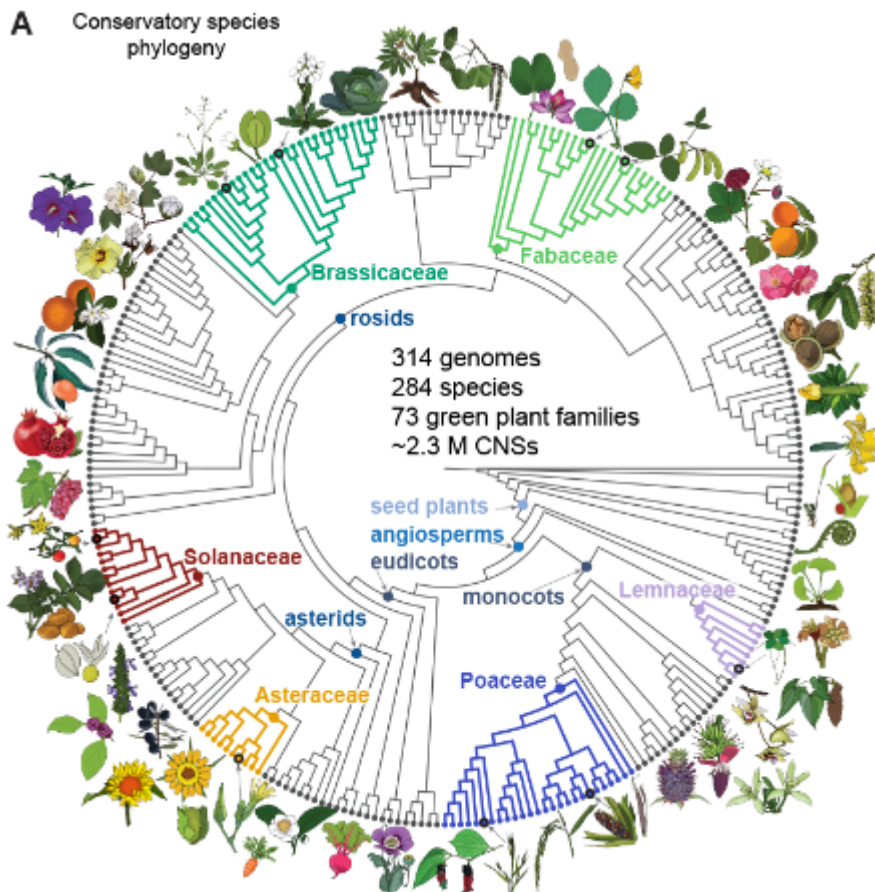


Nouvelles perspectives dans l'édition du génome végétal

31 mars 2026



Un projet de recherche international, dont les résultats sont publiés en mars 2026 dans la revue *Science*, a analysé les données génomiques de 284 espèces végétales de 72 familles de plantes, afin d'identifier les séquences d'ADN, non codantes, restées stables au cours du temps. Ces séquences d'ADN, appelées « éléments cis-régulateurs », modulent l'expression des gènes codant pour des protéines. La persistance d'une séquence dans le génome des plantes, au cours du temps, est révélatrice de son importance. Les chercheurs ont mis à disposition la base de données [Conservatory](#), qui répertorie 2,3 millions de séquences régulatrices en fonction de leur âge et de leur distribution. Une meilleure connaissance de ces séquences et de leur rôle ouvre de nouvelles perspectives dans le domaine de l'édition du génome végétal, pour ajuster l'expression des gènes codant sans affecter d'autres fonctions.

Jérôme Lerbourg, Centre d'études et de prospective

Source : [Science](#)